

Animal : **Horokorva Agnes**

N° d'identification : **956 000 017 420 155**

Race : **Mandarin**

Sexe : **Femelle**

Date de naissance : **15/04/2024**

Pedigree :

Propriétaire : **Serge BRIERE**

N° de prélèvement : **E00839394** (prélevé le 16/05/2025)

Code résultat : **A00111030**

Type prélèvement : **Frottis buccal**

Préleveur : **Lidwine PENNEQUIN** (Vétérinaire - N° d'ordre : 22598)

Prélèvement **authentifié**

Résultat établi le : **05/06/2025**

Document établi le : **05/06/2025**

MALADIES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Atrophie Progressive de la Rétine (APR-rdAc)	CEP290 IVS50 + 9T>G	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Gangliosidose à GM1	GLB1 c.1448G>C	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Cystinurie	SLC7A9 c.881T>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Groupe Sanguin	CMAH c.268T>A ; c.179G>T ; c.1322delT ; c.364C>T	Autosomique récessif	Sérototype A, non porteur b (A/A)		
Mucopolysaccharidose de type VI	ARSB c.1427T>C	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	ABCB1 c.1930_1931delTC	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓

Groupe sanguin - Les analyses génétiques reposent sur la détection de 4 mutations au sein du gène CMAH (Kehl 2018) et permettent de distinguer les 3 groupes sanguins du chat : A, B et AB. Une incompatibilité de groupe sanguin entre la mère et les chatons peut provoquer un empoisonnement des chatons (érythrolyse néonatale). Ce phénomène se produit lors de l'allaitement si la femelle est de groupe B (homozygote pour l'allèle b) et les chatons de groupe A ou AB : des anticorps anti-A contenus dans le colostrum de la mère passent dans la circulation sanguine des chatons provoquant l'érythrolyse néonatale.

EXPLICATIONS	EXPRESSION	TRANSMISSION
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.	✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.	! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.		

Animal : **Horokorva Agnes**

N° d'identification :	956 000 017 420 155	Propriétaire :	Serge BRIERE
Race :	Mandarin	N° de prélèvement :	E00839394 (prélevé le 16/05/2025)
Sexe :	Femelle	Code résultat :	A00111030
Date de naissance :	15/04/2024	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	Lidwine PENNEQUIN (Vétérinaire - N° d'ordre : 22598)
			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	05/06/2025	Document établi le :	05/06/2025

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisément l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Locus A - Agouti			Porteur robe unie (A/a)
a	ASIP c.122_123delCA	Autosomique récessif	A/a
Locus B - Marron			Cinnamon (b^l/b^l)
b	TYRP1 c.1261+5G>A	Autosomique récessif	B/B
b ^l	TYRP1 c.298C>T	Autosomique récessif	b^l/b^l
Locus C - Colour			Porteur Point (C/c^s)
c ^s	TYR p.G302R	Autosomique récessif	C/c^s
c ^b	TYR c.715G>T	Autosomique récessif	C/C
c	TYR c.975delC	Autosomique récessif	C/C
c ²	TYR c.1204C>T	Autosomique récessif	C/C
Locus D - Dilution	MLPH c.83delT	Autosomique récessif	Porteur Dilution (D/d)
Locus Ta - Tabby			Porteur blotched (Ta^m/Ta^b)
Ta ^{b1}	LVRN c.2522G>A	Autosomique récessif	Ta^m/Ta^b
Ta ^{b3}	LVRN c.682G>A	Autosomique récessif	Ta^m/Ta^m
Locus Ti - Ticked			Patron ticked (Ti^{ck}/ti)
Ti ^A	DKK4 c.188G>A	Autosomique dominant	ti/ti
Ti ^{ck}	DKK4 c.53C>T	Autosomique dominant	Ti^{ck}/ti